

## **Keine Verschwörungstheorie mehr: Graphenoxid in Pfizer-Impfstoffen**

<https://uncutnews.ch/keine-verschwoerungstheorie-mehr-graphenoxid-in-pfizer-impfstoffen/>

Wie aus offiziellen Dokumenten des Impfstoffherstellers hervorgeht, wird Graphenoxid bei der Herstellung des Coronaimpfstoffs von Pfizer verwendet. Wahrscheinlich ist dies einer der Gründe, warum das Unternehmen die Dokumente 75 Jahre lang unter Verschluss halten wollte.

Lange Zeit wurde dies von den Medien und „Faktenprüfern“ als Verschwörungstheorie abgetan. Auch Ärzte wie Ryan Cole und Peter McCullough behaupteten, dass in den Impfstoffen kein Graphenoxid enthalten sei.

Video=

<https://www.bitchute.com/video/6ToEd1B926Ng/>

Die Pfizer-Whistleblowerin Karen Kingston war kürzlich zu Gast bei Stew Peters, um sich zu der Entdeckung zu äußern. „Es gibt Graphenoxid in ihnen und sie werden in China hergestellt“, sagte sie.

**Sie können das Dokument, auf das sie sich bezieht, [hier](#) herunterladen, indem Sie nach 125742\_S1\_M4\_4.2.1 vr vtr 10741.pdf suchen.**

<https://icandecide.org/pfizer-documents/>



**Title:** Structural and Biophysical Characterization of SARS-CoV-2 Spike Glycoprotein (P2 S) as a Vaccine Antigen

**Study Number:** N/A

**Parent Compound Number(s):** PF-07302048

PF-07302048: Structural and Biophysical Characterization of SARS-CoV-2 Spike Glycoprotein (P2 S) as a Vaccine Antigen  
VR-VTR-10741, Ver. 2.0

---

a P2 S concentration series, after initial baseline equilibration of 120 seconds, the sensors were dipped in a 10  $\mu\text{g/mL}$  solution of Avi-tagged ACE2-PD or B38 mAb for 300 seconds to achieve capture levels of 1 nM using the threshold function. Then, after another 120 seconds of baseline, binding data were collected for 300 seconds of association and 600 seconds of dissociation.

Biolayer interferometry data were collected with Octet Data Acquisition software version 10.0.0.87 and processed using FortéBio Data Analysis software version 10.0. Data were reference subtracted and fit to a 1:1 binding model with  $R^2$  value greater than 0.95 to determine kinetics and affinity of binding using Octet Data Analysis Software v10.0 (FortéBio).

### 3.4. Cryo-EM of P2 S

For TwinStrep-tagged P2 S, 4  $\mu\text{L}$  purified protein at 0.5  $\text{mg/mL}$  were applied to gold Quantifoil R1.2/1.3 300 mesh grids freshly overlaid with graphene oxide. The sample was blotted using a Vitrobot Mark IV for 4 seconds with a force of -2 before being plunged into liquid ethane cooled by liquid nitrogen. 27,701 micrographs were collected from two identically prepared grids. Data were collected from each grid over a defocus range of -1.2 to -3.4  $\mu\text{m}$  with a total electron dose of 50.32 and 50.12  $\text{e}/\text{\AA}^2$ , respectively, fractionated into 40 frames over a 6-second exposure for 1.26 and 1.25  $\text{e}/\text{\AA}^2/\text{frame}$ . On-the-fly motion correction, CTF estimation, and particle picking and extraction with a box size of 450 pixels